

Marcos Deon Vilela de Resende

List of Publications by Year in descending order

Source: <https://exaly.com/author-pdf/3873827/publications.pdf>

Version: 2024-02-01

152
papers

2,458
citations

279487

23
h-index

329751

37
g-index

154
all docs

154
docs citations

154
times ranked

2000
citing authors

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
1	Software Selegen-REML/BLUP: a useful tool for plant breeding. <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2016, 16, 330-339.	0.1	297
2	Enviromics in breeding: applications and perspectives on envirotypic-assisted selection. <i>Theoretical and Applied Genetics</i> , 2021, 134, 95-112.	1.8	103
3	Genome-wide selection in cassava. <i>Euphytica</i> , 2012, 187, 263-276.	0.6	94
4	Genomic Selection in Forage Breeding: Accuracy and Methods. <i>Crop Science</i> , 2014, 54, 143-156.	0.8	60
5	Ridge, Lasso and Bayesian additive-dominance genomic models. <i>BMC Genetics</i> , 2015, 16, 105.	2.7	53
6	Upland rice breeding in Brazil: a simultaneous genotypic evaluation of stability, adaptability and grain yield. <i>Euphytica</i> , 2013, 192, 117-129.	0.6	51
7	Selection via simulated individual BLUP based on family genotypic effects in sugarcane. <i>Pesquisa Agropecuaria Brasileira</i> , 2006, 41, 421-429.	0.9	48
8	<i>Theobroma grandiflorum</i> breeding optimization based on repeatability, stability and adaptability information. <i>Euphytica</i> , 2021, 217, 1.	0.6	46
9	Genetic parameters and variability in physic nut accessions during early developmental stages. <i>Pesquisa Agropecuaria Brasileira</i> , 2010, 45, 1117-1123.	0.9	43
10	Estabilidade de cultivares e linhagens de feijoeiro em diferentes ambientes no estado de São Paulo. <i>Bragantia</i> , 2007, 66, 193-201.	1.3	42
11	ESTIMATIVAS DE PARÂMETROS GENÉTICOS E PREDIÇÃO DE VALORES GENOTÍPICOS NO MELHORAMENTO DO CAFEIRO PELO PROCEDIMENTO REML/BLUP. <i>Bragantia</i> , 2001, 60, 185-193.	1.8	41
12	Genome-Wide Association and Regional Heritability Mapping of Plant Architecture, Lodging and Productivity in <i>Phaseolus vulgaris</i> . <i>G3: Genes, Genomes, Genetics</i> , 2018, 8, 2841-2854.	0.8	41
13	LINEAR, GENERALIZED, HIERARCHICAL, BAYESIAN AND RANDOM REGRESSION MIXED MODELS IN GENETICS/GENOMICS IN PLANT BREEDING. <i>Revista Do Especialista</i> , 2020, 2, 1-31.	0.6	37
14	Estimação de parâmetros genéticos e predição de valor genético aditivo de trigo utilizando modelos mistos. <i>Pesquisa Agropecuaria Brasileira</i> , 2014, 49, 882-890.	0.9	36
15	Repeatability of full-sib sugarcane families across harvests and the efficiency of early selection. <i>Euphytica</i> , 2011, 182, 423.	0.6	35
16	Avaliação de progênies de macaíba na fase juvenil e estimativas de parâmetros genéticos e diversidade genética. <i>Pesquisa Florestal Brasileira</i> , 2012, 32, 63-68.	0.1	33
17	Cassava yield traits predicted by genomic selection methods. <i>PLoS ONE</i> , 2019, 14, e0224920.	1.1	33
18	Multi-trait multi-environment models in the genetic selection of segregating soybean progeny. <i>PLoS ONE</i> , 2019, 14, e0215315.	1.1	32

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
19	Genome selection in fruit breeding: application to table grapes. <i>Scientia Agricola</i> , 2016, 73, 142-149.	0.6	30
20	Selection Methods in Forage Breeding: A Quantitative Appraisal. <i>Crop Science</i> , 2013, 53, 1925-1936.	0.8	29
21	Adaptabilidade e estabilidade da produção de borracha e seleção em progênies de seringueira. <i>Pesquisa Agropecuária Brasileira</i> , 2009, 44, 1277-1282.	0.9	28
22	Plant selection in F2 segregating populations of papaya from commercial hybrids. <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2012, 12, 191-198.	0.1	26
23	Quantitative trait loci analysis of citrus leprosis resistance in an interspecific backcross family of (<i>Citrus reticulata</i> Blanco × <i>C. sinensis</i> L. Osbeck) × <i>C. sinensis</i> L. Osb. <i>Euphytica</i> , 2009, 169, 101-111.	0.6	25
24	Bayesian inference of mixed models in quantitative genetics of crop species. <i>Theoretical and Applied Genetics</i> , 2013, 126, 1749-1761.	1.8	25
25	Growth and wood quality traits in the genetic selection of potential <i>Eucalyptus dunnii</i> Maiden clones for pulp production. <i>Industrial Crops and Products</i> , 2018, 123, 434-441.	2.5	25
26	APLICAÇÃO DA METODOLOGIA DE MODELOS MISTOS (REML/BLUP) NA ESTIMAÇÃO DE COMPONENTES DE VARIÂNCIA E PREDIÇÃO DE VALORES GENÉTICOS EM PUPUNHEIRA (<i>Bactris gasipaes</i>). <i>Revista Brasileira De Fruticultura</i> , 2001, 23, 320-324.	0.2	24
27	Genomic Prediction of Additive and Non-additive Effects Using Genetic Markers and Pedigrees. <i>G3: Genes, Genomes, Genetics</i> , 2019, 9, 2739-2748.	0.8	24
28	Eficiência da seleção de progênies de café F4 pela metodologia de modelos mistos (REML/BLUP). <i>Bragantia</i> , 2013, 72, 230-236.	1.3	24
29	Identification of Fungus Resistant Wild Accessions and Interspecific Hybrids of the Genus <i>Arachis</i> . <i>PLoS ONE</i> , 2015, 10, e0128811.	1.1	23
30	Avaliação genética de indivíduos e progênies de cupuaçuzeiro no estado do Pará e estimativas de parâmetros genéticos. <i>Revista Brasileira De Fruticultura</i> , 2008, 30, 696-701.	0.2	22
31	SELEÇÃO DE FAMÍLIAS DE CANA-DE-ÁCARO VIA MODELOS MISTOS. <i>Scientia Agraria</i> , 2008, 9, 269.	0.5	22
32	Genetic improvement of forest tree species. <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2011, 11, 44-49.	0.1	21
33	Estimativas de parâmetros genéticos e métodos de seleção para o melhoramento genético de <i>Pinus caribaea</i> var. <i>hondurensis</i> . <i>Pesquisa Agropecuária Brasileira</i> , 2000, 35, 2243-2253.	0.9	20
34	Prediction of genotypic values and estimation of genetic parameters in common bean. <i>Brazilian Archives of Biology and Technology</i> , 2008, 51, 465-472.	0.5	20
35	Seleção simultânea em progênies de açaizeiro irrigado para produção e peso do fruto. <i>Revista Brasileira De Fruticultura</i> , 2011, 33, 532-539.	0.2	19
36	Genetic parameters and correlation in early measurement cycles in rubber trees. <i>Euphytica</i> , 2013, 189, 343-350.	0.6	19

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
37	Multiple-trait BLUP in longitudinal data analysis on <i>Jatropha curcas</i> breeding for bioenergy. <i>Industrial Crops and Products</i> , 2019, 130, 558-561.	2.5	19
38	Variabilidade genética para caracteres morfológicos de matrizes de castanha-do-brasil da Amazônia Mato-grossense. <i>Acta Amazonica</i> , 2010, 40, 705-710.	0.3	18
39	Best Linear Unbiased Prediction and Family Selection in Crop Species. <i>Crop Science</i> , 2011, 51, 2371-2381.	0.8	18
40	Produção de cachos e parâmetros genéticos de híbridos de caiaú com dendezeiro. <i>Pesquisa Agropecuária Brasileira</i> , 2012, 47, 1496-1503.	0.9	18
41	Selection of <i>Jatropha curcas</i> families based on temporal stability and adaptability of genetic values. <i>Industrial Crops and Products</i> , 2018, 119, 290-293.	2.5	17
42	Genetic parameters of agronomic characters in <i>Panicum maximum</i> hybrids. <i>Revista Brasileira De Zootecnia</i> , 2013, 42, 231-237.	0.3	17
43	Índice Multifeitos e estimativas de parâmetros genéticos em aceroleira. <i>Pesquisa Agropecuária Brasileira</i> , 2002, 37, 799-807.	0.9	16
44	Multiple-trait BLUP: a suitable strategy for genetic selection of <i>Eucalyptus</i> . <i>Tree Genetics and Genomes</i> , 2018, 14, 1.	0.6	16
45	Estimativas de parâmetros genéticos e ganho de seleção para produção de frutos em progênies de polinização aberta de pupunheira no estado do Pará, Brasil. <i>Bragantia</i> , 2013, 72, 122-126.	1.3	16
46	Seleção genética em progênies híbridas de coqueiro. <i>Revista Brasileira De Fruticultura</i> , 2009, 31, 190-196.	0.2	15
47	Phenotypic markers in early selection for tolerance to dieback in <i>Eucalyptus</i> . <i>Industrial Crops and Products</i> , 2017, 107, 130-138.	2.5	15
48	Optimization of <i>Eucalyptus</i> breeding through random regression models allowing for reaction norms in response to environmental gradients. <i>Tree Genetics and Genomes</i> , 2020, 16, 1.	0.6	15
49	Efficiency of selection within sugarcane families via simulated individual BLUP. <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2015, 15, 1-9.	0.1	15
50	Avaliação genética em erva-mate pelo procedimento BLUP individual multivariado sob interação genótipo x ambiente. <i>Pesquisa Agropecuária Brasileira</i> , 2002, 37, 1589-1596.	0.9	15
51	Divergência genética e Índice de seleção via BLUP em acessos de algodoeiro para características tecnológicas da fibra. <i>Pesquisa Agropecuária Tropical</i> , 2014, 44, 334-640.	1.0	15
52	Evolução da vassoura-de-bruxa e avaliação da resistência em progênies de cupuaçuzeiro. <i>Revista Brasileira De Fruticultura</i> , 2009, 31, 1022-1032.	0.2	14
53	Inbreeding depression as a cause of fruit abortion in structured populations of macaw palm (<i>Attalea speciosa</i>) Tj ETQq1 1 0.784314 rgBT /Overlock 10 T 652-659.	2.5	14
54	Early selection and classification of yerba mate progênies. <i>Pesquisa Agropecuária Brasileira</i> , 2018, 53, 279-286.	0.9	14

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
55	Multiple-trait model through Bayesian inference applied to <i>Jatropha curcas</i> breeding for bioenergy. PLoS ONE, 2021, 16, e0247775.	1.1	14
56	BLUP for genetic evaluation of plants in non-inbred families of annual crops. Euphytica, 2010, 174, 31-39.	0.6	12
57	Ganho genético com base no tamanho efetivo populacional de progênies de seringueira. Pesquisa Agropecuária Brasileira, 2010, 45, 1419-1424.	0.9	12
58	Avaliação e seleção de progênies de cupuaçuzeiro (<i>Theobroma grandiflorum</i>), em Belém, Pará. Revista Brasileira De Fruticultura, 2010, 32, 204-212.	0.2	12
59	Regressão via componentes independentes aplicada à seleção genômica para características de carcaça em suínos. Pesquisa Agropecuária Brasileira, 2013, 48, 619-626.	0.9	12
60	Resistance of <i>Eucalyptus pellita</i> to rust (<i>Puccinia psidii</i>). Crop Breeding and Applied Biotechnology, 2014, 14, 244-250.	0.1	12
61	Estimation of genetic parameters for in vitro oil palm characteristics (<i>Elaeis guineensis</i> Jacq.) and selection of genotypes for cloning capacity and oil yield. Industrial Crops and Products, 2015, 77, 1033-1038.	2.5	12
62	Genetic parameters and selection of macaw palm (<i>Acrocomia aculeata</i>) accessions: an alternative crop for biofuels. Crop Breeding and Applied Biotechnology, 2018, 18, 259-266.	0.1	12
63	Resistance to Ceratocystis Wilt (<i>Ceratocystis fimbriata</i>) in Parents and Progenies of <i>Eucalyptus grandis</i> x <i>E. urophylla</i> . Silvae Genetica, 2010, 59, 99-106.	0.4	12
64	Variabilidade genética e seleção para caracteres de crescimento da seringueira. Bragantia, 2008, 67, 299-305.	1.3	12
65	Avaliação e seleção precoce para crescimento de <i>Pinus taeda</i> . Pesquisa Agropecuária Brasileira, 2002, 37, 1719-1726.	0.9	11
66	Estimativas de parâmetros genéticos e métodos de seleção para o melhoramento genético de <i>Pinus oocarpa</i> Schiede. Pesquisa Agropecuária Brasileira, 2002, 37, 625-636.	0.9	11
67	Simulated Individual Best Linear Unbiased Prediction versus Mass Selection in Sugarcane Families. Crop Science, 2016, 56, 570-575.	0.8	11
68	Genomic selection for productive traits in biparental cassava breeding populations. PLoS ONE, 2019, 14, e0220245.	1.1	11
69	Population structure correction for genomic selection through eigenvector covariates. Crop Breeding and Applied Biotechnology, 2017, 17, 350-358.	0.1	11
70	Procedimento Blupis e seleção massal em cana-de-açúcar. Bragantia, 2011, 70, 796-800.	1.3	11
71	Estimation of genetic parameters in rubber progenies. Crop Breeding and Applied Biotechnology, 2012, 12, 185-190.	0.1	11
72	Parâmetros genéticos e ganho com a seleção para populações de pinhão manso (<i>Jatropha curcas</i>). Pesquisa Florestal Brasileira, 2010, 30, 25-35.	0.1	11

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
73	Breeding new sugarcane clones by mixed models under genotype by environmental interaction. <i>Scientia Agricola</i> , 2014, 71, 66-71.	0.6	10
74	ESTABILIDADE E ADAPTABILIDADE EM TESTES DE PROGÊNIES DE MYRACRODRUON URUNDEUVA SOB QUATRO SISTEMAS DE PLANTIO. <i>Cerne</i> , 2016, 22, 171-180.	0.9	10
75	Genetic evaluation of Pinus taeda clones from somatic embryogenesis and their genotype x environment interaction. <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2018, 18, 55-64.	0.1	10
76	Effective population size and genetic gain expected in a population of Coffea canephora. <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2019, 19, 1-7.	0.1	10
77	Accelerating Eucalyptus breeding strategies through top grafting applied to young seedlings. <i>Industrial Crops and Products</i> , 2021, 171, 113906.	2.5	10
78	Componentes de variância e predição de valores genéticos em seringueira pela metodologia de modelos mistos (REML/BLUP). <i>Pesquisa Agropecuaria Brasileira</i> , 2000, 35, 1883-1887.	0.9	9
79	Alternativas para atenuar a diferença de estande nos experimentos de avaliação de clones de Eucalyptus urophylla. <i>Revista Arvore</i> , 2006, 30, 11-18.	0.5	9
80	Análise genética de famílias de meios-irmãos de cupuaçuzeiro. <i>Pesquisa Florestal Brasileira</i> , 2011, 31, 123-130.	0.1	9
81	Predição simultânea dos efeitos de marcadores moleculares e seleção genética ampla em cajueiro. <i>Revista Brasileira De Fruticultura</i> , 2012, 34, 840-846.	0.2	9
82	VARIÁVEL GENÉTICA PARA CARACTERES SILVICULTURAIS EM TRÊS ESPÉCIES ARBÓREAS DA REGIÃO DO BOLSÃO SUL-MATO-GROSSENSE. <i>Cerne</i> , 2015, 21, 535-544.	0.9	9
83	Estimates of repeatability coefficients and optimum number of measures for genetic selection of Cynodon spp.. <i>Euphytica</i> , 2020, 216, 1.	0.6	9
84	Overcoming collinearity in path analysis of soybean [Glycine max (L.) Merr.] grain oil content. <i>PLoS ONE</i> , 2020, 15, e0233290.	1.1	9
85	Toona ciliata genotype selection with the use of individual BLUP with repeated measures. <i>Scientia Agricola</i> , 2012, 69, 210-216.	0.6	9
86	Genetic evaluation of grain sorghum hybrids in Brazilian environments using the REML/BLUP procedure. <i>Scientia Agricola</i> , 2014, 71, 146-150.	0.6	9
87	Predição de parâmetros e valores genéticos para caracteres de crescimento e produção de látex em progênies de seringueira. <i>Bragantia</i> , 2010, 69, 49-56.	1.3	8
88	ESTUDO DA INTERAÇÃO GENÓTIPO X AMBIENTE EM PROGÊNIES DE Pinus taeda POR MEIO DA ANÁLISE DE PARÂMETROS GENÉTICOS. <i>Floresta</i> , 2012, 42, 539.	0.1	8
89	Selection of inbred soybean progeny (<i>Glycine max</i>): an approach with population effect. <i>Plant Breeding</i> , 2018, 137, 865-872.	1.0	8
90	Statistical strategies design based on competition classes of Eucalyptus clones. <i>Industrial Crops and Products</i> , 2018, 124, 66-73.	2.5	8

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
91	Multiple-trait, random regression, and compound symmetry models for analyzing multi-environment trials in maize breeding. PLoS ONE, 2020, 15, e0242705.	1.1	8
92	Genetic parameters estimation in King palm through a mixed mating system model. Horticultura Brasileira, 2003, 21, 93-98.	0.1	7
93	Genetic analysis for sooty mold resistance and heart of palm yield in Archontophoenix. Scientia Agricola, 2004, 61, 178-184.	0.6	7
94	Seleção simultânea para porte reduzido e alta produção de látex em seringueira. Bragantia, 2008, 67, 649-654.	1.3	7
95	Combined selection of progeny in crop breeding using best linear unbiased prediction. Canadian Journal of Plant Science, 2012, 92, 553-562.	0.3	7
96	Parâmetros genéticos e ganhos com a seleção de progênies de Euterpe oleracea na fase juvenil. Cerne, 2012, 18, 515-521.	0.9	7
97	Evaluation of different selection indices combining Pilodyn penetration and growth performance in Eucalyptus clones. Crop Breeding and Applied Biotechnology, 2017, 17, 206-213.	0.1	7
98	Selection index via REML/BLUP for identifying superior banana genotypes in the central region of Goiás state, Brazil. Revista Ceres, 2019, 66, 26-33.	0.1	7
99	Métodos de análise de dados longitudinais para o melhoramento genético da pinha. Pesquisa Agropecuária Brasileira, 2011, 46, 1657-1664.	0.9	7
100	Avaliação genética de seleções e híbridos de limões cravo, volkameriano e rugoso como porta-enxertos para laranjeiras Valência na presença da morte súbita dos citros. Revista Brasileira De Fruticultura, 2013, 35, 199-209.	0.2	7
101	Avaliação genética e análise de deviance em um teste desbalanceado de procedência e progênie de Ilex paraguariensis. Pesquisa Florestal Brasileira, 2010, 30, 157-160.	0.1	7
102	Designing the best breeding strategy for Coffea canephora: Genetic evaluation of pure and hybrid individuals aiming to select for productivity and disease resistance traits. PLoS ONE, 2021, 16, e0260997.	1.1	7
103	Genomic prediction of growth and wood quality traits in Eucalyptus benthamii using different genomic models and variable SNP genotyping density. New Forests, 2023, 54, 343-362.	0.7	7
104	Variabilidade genética de procedências e progênies de umbuzeiro via metodologia de modelos lineares mistos (REML/BLUP). Revista Brasileira De Fruticultura, 2004, 26, 53-56.	0.2	6
105	Genetic evaluation of inbred plants based on BLUP of breeding value and general combining ability. Crop and Pasture Science, 2011, 62, 515.	0.7	6
106	Genetic parameters and simultaneous selection for root yield, adaptability and stability of cassava genotypes. Pesquisa Agropecuária Brasileira, 2013, 48, 1562-1568.	0.9	6
107	Selection and genetic parameters for interpopulation hybrids between kouilou and robusta coffee. Bragantia, 2019, 78, 52-59.	1.3	6
108	Random regression for modeling yield genetic trajectories in Jatropha curcas breeding. PLoS ONE, 2020, 15, e0244021.	1.1	6

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
109	Relevance of Pedigree, Historical Data, Dominance, and Data Unbalance for Selection Efficiency. <i>Agronomy Journal</i> , 2012, 104, 722-728.	0.9	5
110	Value for cultivation and use of upland rice cultivars tested in multi-environments. <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2012, 12, 25-33.	0.1	5
111	Multi-trait and repeatability models for genetic evaluation of litter traits in pigs considering different farrowings. <i>Revista Brasileira De Saude E Producao Animal</i> , 2016, 17, 666-676.	0.3	5
112	Genetic variability and progeny selection of peach palm via mixed models (REML / BLUP). <i>Acta Scientiarum - Agronomy</i> , 2017, 39, 165.	0.6	5
113	Triple categorical regression for genomic selection: application to cassava breeding. <i>Scientia Agricola</i> , 2019, 76, 368-375.	0.6	5
114	Establishment of gene pools for systematic heterosis exploitation in sugarcane breeding. <i>Agronomy Journal</i> , 2020, 112, 3847-3858.	0.9	5
115	Soybean productivity, stability, and adaptability through mixed model methodology. <i>Ciencia Rural</i> , 2021, 51, .	0.3	5
116	Genetic parameters and selection of sugarcane in early selection stages for resistance to sugarcane borer <i>Diatraea saccharalis</i> . <i>Crop Breeding and Applied Biotechnology</i> , 2019, 19, 208-216.	0.1	5
117	Dialelo parcial entre clones de <i>Eucalyptus camaldulensis</i> e clones de <i>E. urophylla</i> , <i>E. grandis</i> e <i>E. saligna</i> . <i>Revista Arvore</i> , 2009, 33, 395-402.	0.5	4
118	HERITABILITY, REPEATABILITY, AND GENETIC GAINS IN A IMPROVEMENT POPULATION OF CAJUÃZEIRO. <i>Revista Arvore</i> , 2016, 40, 715-722.	0.5	4
119	Combined index of genomic prediction methods applied to productivity. <i>Ciencia Rural</i> , 2019, 49, .	0.3	4
120	Genetic divergence among cupuaÃ§u accessions by multiscale bootstrap resampling. <i>Bragantia</i> , 2015, 74, 169-175.	1.3	4
121	SeleÃ§Ã£o genÃmica para melhoramento vegetal com diferentes estruturas populacionais. <i>Pesquisa Agropecuaria Brasileira</i> , 2016, 51, 1857-1867.	0.9	4
122	Selection gains for bunch production in interspecific hybrids between â€œcaiauaÃ©â€ and oil palm. <i>Pesquisa Agropecuaria Brasileira</i> , 0, 54, .	0.9	4
123	AcurÃ¡cia preditiva de testes clonais de <i>Eucalyptus</i> spp. utilizando efeitos aditivos do parentesco e validaÃ§Ã£o cruzada. <i>Scientia Forestalis/Forest Sciences</i> , 2017, 45, .	0.2	4
124	Adaptability and stability in rubber tree progenies under different environmental conditions. <i>Pesquisa Florestal Brasileira</i> , 2013, 33, 37-44.	0.1	4
125	Coefficiente de repetibilidade para produÃ§Ã£o de frutos e seleÃ§Ã£o de matrizes de <i>Bertholletia excelsa<i> (Bonpl.) em castanhas nativas do estado do Acre. <i>Ciencia Florestal</i> , 2020, 30, 135.	0.1	4
126	Selection of <i>Jatropha</i> genotypes for bioenergy purpose: an approach with multitrait, multiharvest and effective population size. <i>Bragantia</i> , 2020, 79, 346-355.	1.3	4

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
127	Seleção precoce intensiva: uma nova estratégia para o programa de melhoramento genético do cajueiro. Revista Brasileira De Fruticultura, 2010, 32, 1279-1284.	0.2	3
128	Validação e correção de fenótipos na seleção genômica ampla. Pesquisa Agropecuaria Brasileira, 2016, 51, 1973-1982.	0.9	3
129	Genetic evaluation and selection in <i>Jatropha curcas</i> L.. Crop Breeding and Applied Biotechnology, 2018, 18, 192-199.	0.1	3
130	New insights into genomic selection through population-based non-parametric prediction methods. Scientia Agricola, 2019, 76, 290-298.	0.6	3
131	Use of the REML/BLUP methodology for the selection of sweet orange genotypes. Pesquisa Agropecuaria Brasileira, 0, 56, .	0.9	3
132	Selection of full-sib families of <i>Panicum maximum</i> Jacq under low light conditions. Revista Ceres, 2015, 62, 199-207.	0.1	3
133	Parâmetros genéticos e seleção inicial de procedências e progênies de taxibranco (<i>Tachigali) Tj ETQq1 1 0.784314 rgBT	0.1	3
134	Quantifying individual variation in reaction norms using random regression models fitted through Legendre polynomials: application in eucalyptus breeding. Bragantia, 2020, 79, 485-501.	1.3	3
135	CORRELAÇÃO ENTRE VALORES GENOTÍPICOS PREDITOS E ESTIMATIVAS DE ADAPTABILIDADE E ESTABILIDADE DE CLONES DE CANA-DE-ÁCAR NO CONTEXTO DE MODELOS MISTOS. Scientia Agraria, 2009, 10, 111.	0.5	2
136	Estimates of parameters, prediction and selection of an oil palm population in Ecuador. Revista Facultad Nacional De Agronomia Medellin, 2018, 71, 8477-8487.	0.2	2
137	Genetic parameters to production characters of palm heart in half-sibs progenies of palm peach. Ciencia Rural, 2019, 49, .	0.3	2
138	Entropy and mutual information in genome-wide selection: the splitting of k-fold cross-validation sets and implications for tree breeding. Tree Genetics and Genomes, 2020, 16, 1.	0.6	2
139	Clonal selection in S0 and S1 peach trees evaluated in a subtropical environment. Crop Breeding and Applied Biotechnology, 2021, 21, .	0.1	2
140	Evaluation of Bayesian methods of genomic association via chromosomal regions using simulated data. Scientia Agricola, 2022, 79, .	0.6	2
141	Melhoramento genético de erva-mate nativa do Estado de Mato Grosso do Sul. Bragantia, 2009, 68, 611-619.	1.3	2
142	Genomic prediction with the additive-dominant model by dimensionality reduction methods. Pesquisa Agropecuaria Brasileira, 0, 55, .	0.9	2
143	PARÂMETROS GENÉTICOS PARA A CAPACIDADE DE PROPAGAÇÃO DE <i>Pinus taeda</i> POR EMBRIOGÊNESE SOMÁTICA1. Revista Arvore, 2015, 39, 1093-1102.	0.5	1
144	Regional heritability mapping and genome-wide association identify loci for rice traits. Crop Science, 2022, 62, 839-858.	0.8	1

#	ARTICLE	IF	CITATIONS
145	AvaliaÃ§Ã£o genÃ©tica de Eucalyptus camaldulensis no Estado de Mato Grosso. Pesquisa Florestal Brasileira, 2012, 32, 49-57.	0.1	0
146	JUVENILE-MATURE GENETIC CORRELATIONS IN Pinus taeda CLONES PROPAGATED VIA SOMATIC EMBRYOGENESIS. Revista Arvore, 2016, 40, 255-267.	0.5	0
147	Estudo comparativo de delineamentos experimentais para estimativas de parÃ¢metros genÃ©ticos em erva-mate (Ilex paraguariensis A. St. - Hil.). Revista Arvore, 2004, 28, 663-671.	0.5	0
148	Mejoramiento genÃ©tico y tasa de autofecundaciÃ³n del Camu Camu arbustivo en la AmazonÃa Peruana. Revista Brasileira De Fruticultura, 2008, 30, 450-454.	0.2	0
149	Teoria de valores extremos e tamanho amostral para o melhoramento genÃ©tico do quantil mÃ¡ximo em plantas. Revista Brasileira De Biometria, 2018, 36, 108-127.	0.1	0
150	Productive capacity and genetic variation behavior in progenies from irrigated aÃ§ai according to plant age. Agro@mbiente on-line, 0, 14, .	0.2	0
151	Evaluation of a new additive-dominance genomic model and implications for quantitative genetics and genomic selection. Scientia Agricola, 2022, 79, .	0.6	0
152	Determination of optimal number of independent components in yield traits in rice. Scientia Agricola, 2022, 79, .	0.6	0